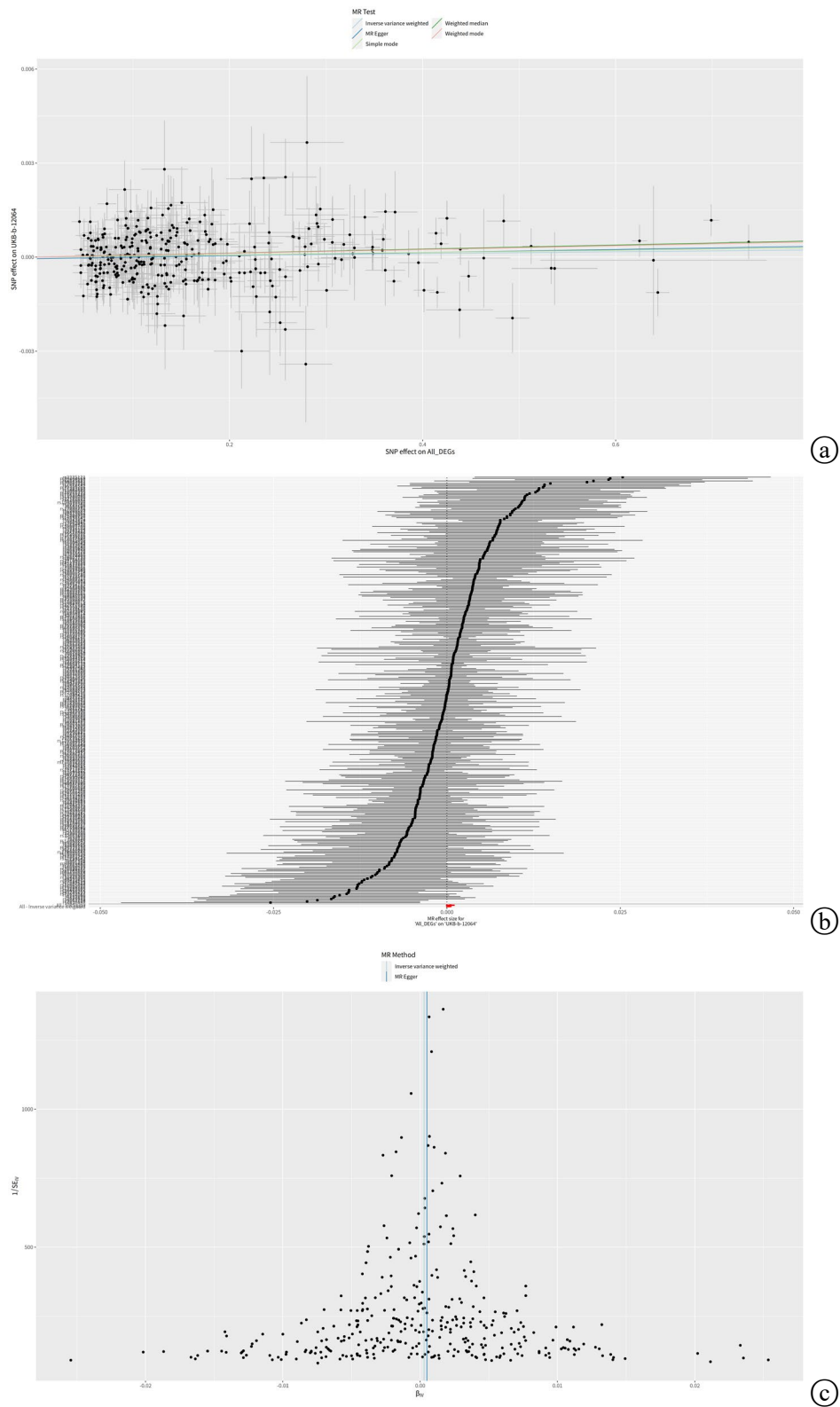
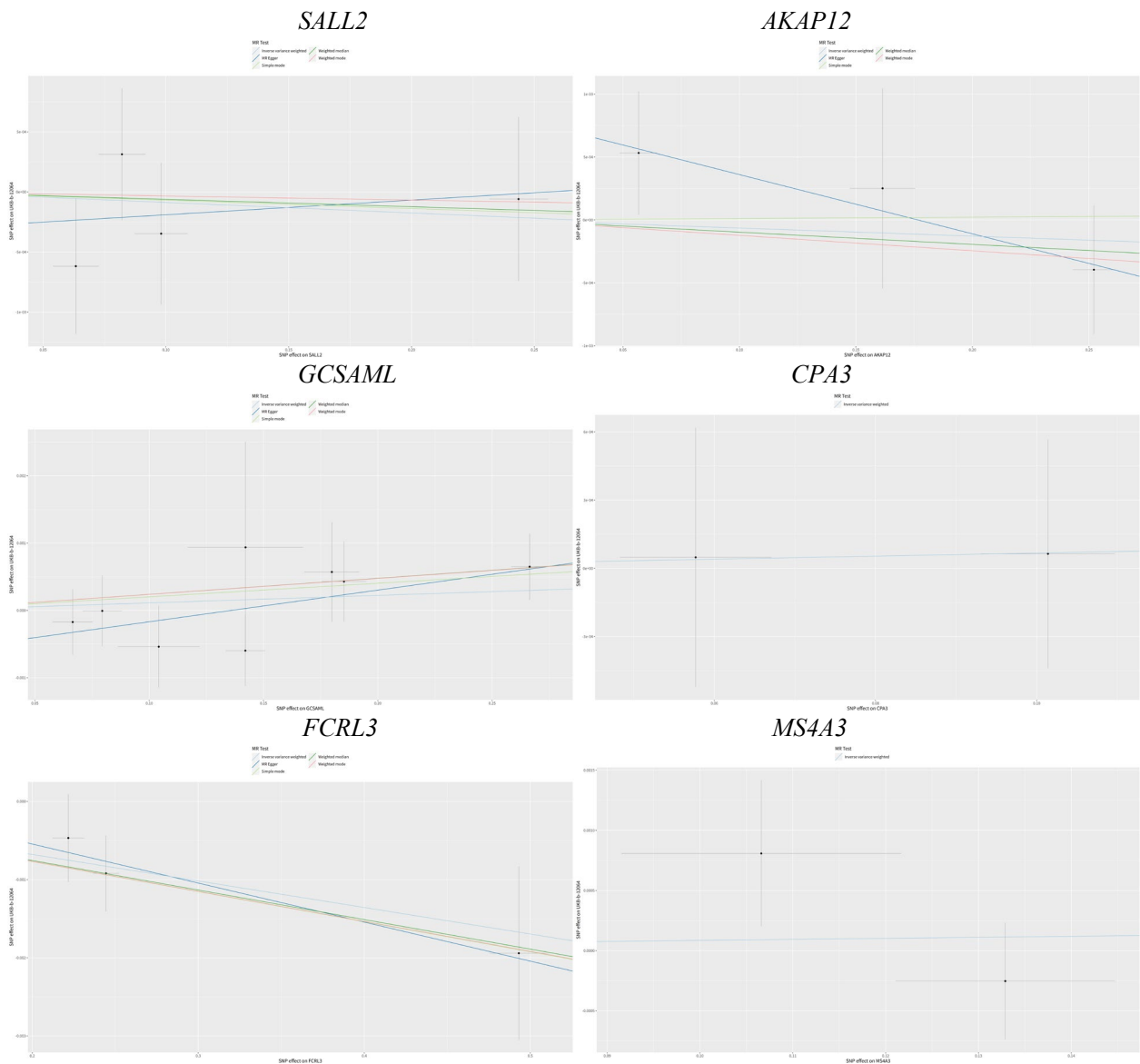




附件图 1 抑郁症差异表达基因相关 SNP 与抑郁症遗传易感性之间的孟德尔随机化分析

a. 散点图分析，横坐标为 SNP 对所有差异表达基因的效应估计值，纵坐标为 SNP 对抑郁症遗传易感性效应的估计值；b. 森林图分析，展示了 110 个抑郁症差异表达基因相关的 SNP 与抑郁症遗传易感性之间的关系，横坐标为效应估计值，纵坐标为具体的 SNP 标识；c. 漏斗图分析，揭示了抑郁症差异表达基因相关 SNP 的孟德尔随机化分析结果的一致性和偏倚情况，横坐标为效应估计值，纵坐标为标准误差。SNP：单核苷酸多态性



附件图 2 差异表达基因相关 SNP 与抑郁症遗传易感性之间的关联趋势散点图分析

分析展示了 *SALL2*、*AKAP12*、*GCSAML*、*CPA3*、*FCRL3* 和 *MS4A3* 相关 SNP 与抑郁症遗传易感性之间的分布和关联趋势。SNP：单核苷酸多态性